科学研究費助成事業

研究成果報告書



平成 2 9 年 6 月 1 6 日現在

機関番号: 12102
研究種目: 基盤研究(C)(一般)
研究期間: 2014 ~ 2016
課題番号: 26410172
研究課題名(和文)ヘムタンパク質機能の電子論的解明と人工酸素運搬体創製への応用
研究課題名(英文)Elucidation of electronic control of hemoprotein function and its application to construct artificial blood substitute
研究代表者
山本 泰彦(YAMAMUIU, Yasuhiko)
\$P\$ 这个学,为田物好巧,为招
机放八子 · 奴哇彻莫示 · 狄吱
研究者畨号:0 0 1 9 1 4 5 3
交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 4,000,000円

研究成果の概要(和文):酸素貯蔵ヘムタンパク質ミオグロビンの機能と補欠分子族として存在するヘムの電子 構造の関係を解明する研究を行い、ヘム鉄の電子密度がミオグロビンの酸素親和性、酸素と一酸化炭素の識別お よび自動酸化の調節に重要な役割を果たしていることを明らかにした。ミオグロビンのヘム鉄の電子密度の調節 とヘム近傍のアミノ酸残基の置換を通して、ミオグロビンの機能を制御する分子設計指針を明らかにした。

研究成果の概要(英文):We analyzed the functional properties of myoglobin and its mutant proteins reconstituted with heme cofactors possessing a heme Fe atom with a variety of electron densities. The study revealed that the oxygen (02) affinities of the proteins are regulated by the electron density of the heme Fe atom (R(Fe)) in such a manner that the 02 affinity of the protein decreases, due to an increase in the 02 dissociation rate constant, with a decrease in the R(Fe). On the other hand, the carbon monoxide (CO) affinities of the proteins were almost independent of the R(Fe). As a result, the regulation of the 02/CO discrimination in the proteins is controlled by the R(Fe). Thus the electronic tuning of the intrinsic heme Fe reactivity through the R(Fe) plays a vital role in the regulation of the protein function, as the heme environment furnished by the nearby amino acid residues does. These findings pave the way to construct artificial blood substitute.

研究分野: 生物無機化学

キーワード: ヘムタンパク質 ヘム電子構造 配位子結合反応 機能調節 人工酸素運搬体

1. 研究開始当初の背景

生物界に遍在するヘムタンパク質の機能 調節において、活性中心部位であるヘムの電 子構造が重要な役割を担っていることは従 来から認識されている。ヘム側鎖の化学修飾 を通してヘムの電子構造を変化させ、その変 化がヘムタンパク質の機能と構造にどのよ うな影響を与えるのかを解析する研究は、こ れまでも数多く発表されている。しかしなが ら、ヘムタンパク質の機能は、ヘムの電子構 造に加えて、タンパク質部分のアミノ酸残基 がヘム近傍につくりだす構造化学的環境に よっても影響を受けるので、化学修飾へムを 用いると、タンパク質内部でのヘムとタンパ ク質の相互作用にも大きな構造化学的摂動 が与えられるため、ヘムの電子構造およびへ ムとタンパク質の相互作用の両方が変化す ることになるため、ヘム電子構造のみの変化 がヘムタンパク質の機能に与える影響を解 明することは困難である。このように、従来 のヘム側鎖の化学修飾を利用した研究では、 ヘム電子構造とヘムタンパク質の機能の関 係に焦点を当てた系統的な研究は困難であ った。

本研究では、ヘム側鎖へのトリフルオロメ チル(CF₃)基の導入を通してヘム電子構造



図1.本研究で用いた化学修飾ヘム。天然のヘ ムの分子構造は、Meso の2つのエチル基が いずれもビニル基である。Meso と 7-PF、 3.8-DMD と 2.8-DPF をそれぞれ対比させた 組毎の比較を行うことにより、Meso と 7-PF では CH₃ 基 1 つの CF₃ 基への置換、3.8-DMD と 2,8-DPF では 2 つの置換が、 それぞれ Mb の機能と構造に及ぼす影響を明らかにするこ とが可能となる。CF3 基導入がヘムに与える 電子的摂動が CH3 基から CF3 基への置換が Mb におけるヘムとタンパク質の相互作用に 及ぼす影響よりも大きいので、これら化学修 飾ヘムを用いることにより、ヘムの電子構造、 特に、ヘム鉄の電子密度(pFe)、の変化が Mb の機能に与える影響を明らかにすることがで きる。

に対して系統的な摂動を与え、酸素(O₂) 貯 蔵ヘムタンパク質ミオグロビン(Mb)にお けるヘム電子構造と機能の相関関係を解析 する。CF3 基でメチル(CH3)基を置換した 化学修飾ヘムを Mb に組み込むことにより、 ヘムの化学修飾がヘムとタンパク質の相互 作用に与える影響を最小限に抑える一方、ヘ ムの電子構造に比較的大きな摂動を与える ことが可能となる。このCF3基置換法を用い れば、Mesoと7-PF、3,8-DMDと2,8-DPF(図 1)をそれぞれ比較することにより、CH3基1 つ、2つのCF3基への置換がヘム電子構造に 与える摂動が Mbの機能に与える影響を初め て明らかにすることが可能となる。

2. 研究の目的

ヘムタンパク質における機能調節の分子 機構を、ヘムのポルフィリン環 π 電子系と ヘム側鎖、軸配位子およびヘム鉄に結合した 外部配位子と近傍のアミノ酸側鎖との水素 結合や双極子-多極子相互作用等の電子的な 相互作用に基づいて統一的に解明する。そし て、本研究から得られた知見を Mb を模倣し た人工酸素運搬体の創製に応用する。

3. 研究の方法

へム側鎖として強い電子求引性を示す CF3 基を導入した化学修飾ヘム(図1)を利用して、 Mbのヘム活性部位に系統的な電子的摂動を 与え、それら電子的摂動が、Mbのヘムおよ び軸配位子の電子構造、ヘム鉄に結合した外 部配位子と近傍のアミノ酸側鎖との電子的 相互作用に与える影響を解析すると共に、O2 および一酸化炭素(CO)の結合反応、自動酸化 反応に与える影響を計測する。また、ヘム側 鎖への CF3基の導入が Mbの外部配位子結合 部位やヘム近傍のタンパク質の立体構造に 与える影響を、共鳴ラマン分光法、X線結晶 構造解析およびNMR等を駆使し、従来の Mb研究よりもはるかに高い時空分解能で解 析する。

4. 研究成果

(1) 天然のMb (Native Mb) と Mb の機能 調節に重要なアミノ酸である His64、Leu29 に着目して調製した人工変異体(H64L、 H64Q、L29F 一置換体および L29F/H64L 二 置換体)のいずれの試料においても、ヘム鉄 の電子密度(pFe)の減少に伴い、O2親和性 と自動酸化反応速度が共に低下することが 明らかとなった。Mbのこれら機能と ρFeの関 係は、Mbのヘム鉄(Fe²⁺)に O₂が結合し た Fe²⁺⁻O₂の共鳴(図2)に基づいて説明す ることができる。 $Fe^{2+}-O_2$ は、図2に示すA 構造とB構造の2つの極限構造の共鳴混成体 として存在していると考えることができる。 B構造は、A構造の Fe²⁺から O₂へ電子が移 動することにより生じる構造であり、末端酸 素原子が負に帯電した Fe³⁺-O₂-に近い状態 であると考えられている。したがって、図2



図2. Mb のヘム鉄 (Fe²⁺) に O_2 が結合した Fe²⁺- O_2 の共鳴。A構造:デオキシ Mb の Fe²⁺ に O_2 が結合した構造。B 構造:A 構造の Fe²⁺ から O_2 へ電子が移動することにより、末端酸 素原子が負に帯電した極限構造。

の共鳴がA構造の方に偏った状態で O_2 が脱離すればデオキシMbとなり、逆に、B構造の方に偏った状態で O_2 が脱離すれば酸化型Mb、すなわち、自動酸化反応が起こりメトMb、となる。そこで、 $\rho_{Fe} を減少させると、Fe²⁺からO_2への電子移動が阻害され、図2の共鳴はA構造の方に偏る。その結果、<math>O_2$ の解離反応速度定数($k_{off}(O_2)$)は増大し、 O_2 親和性は低下する。その一方で、 ρ_{Fe} の減少に伴って、共鳴混成体におけるB構造の寄与が少なくなることで自動酸化反応速度は低下



図3. Mb (Native Mb)、H64L および L29F — 置換体に化学修飾ヘムを組み込んだ試料の CO が結合した状態における CO 伸縮振動vco に対する CO と O₂の識別能(M = CO親和性) の片対数プロット。vco はヘム鉄 の電子密度(ρ_{Fe})の指標として利用できる(本 文参照)。個々のタンパク質のプロットは、良 好な直線性を示している。L29F 一置換体に Meso、3,8-DMD を組み込んだ試料の M 値は 1よりも小さいことから、これら試料では CO よりも O₂に対してより高い親和性を示すこと がわかる。また、ヘムの化学修飾とアミノ酸置 換を組合すことにより、M 値を約 10 万倍の範 囲で調節することができることが示された。

すると考えることができる。このように、図 2の共鳴は、MbのO₂親和性および自動酸化 反応を調節する、言わば電子的な調節機構と して重要であることが明らかになった。

なお、私共は、pFe を評価する指標として、 Mb に CO が結合した状態における CO 伸縮 振動vco を利用することができることを実証 している。CO体における Fe2+と COの結合 では、Fe²⁺から CO への逆供与によって、 $Fe^{2+(\delta^{+})}-C \equiv O^{\delta^{+}} ↔ Fe^{2+(\delta^{+})}=C=O^{\delta^{-}}$ の共鳴 混成体として存在すると考えることができ る。ここで、Fe²⁺から CO への逆供与の程度 は pFeに依存すると考えられるので、例えば、 oFeを減少させると、Fe²⁺から CO への逆供与 が阻害され、共鳴が Fe²⁺⁽⁶⁻⁾-C≡O⁶⁺ の方に偏 り、結果的に、vco は高波数シフトすること が予想される。私共は、Mb に CO が結合し た状態における共鳴を通した pFe とvco の間 で予想されるこの関係を実証することに成 功した。

この pFeとvcoの関係と、上述した pFeの減 少に伴う k_{off}(O₂)の増大の関係を組み合わせ ると、pFeの減少を反映するvcoの高波数シフ トに伴って koff(O2)が増大することが予想さ れる。実際、本研究で用いた化学修飾ヘムを 組み込んだ Native Mb および研究したすべ ての人工変異体において、vco に対する koff(O2)の片対数プロットを作成すると、良好 な右上がりの直線プロットが得られ、OFe と koff(O2)の関係は、Mb において普遍的に成立 することが実証された。さらに、O2の結合反 応速度定数 ($k_{on}(O_2)$) は、 ρ_{Fe} にはほとんど 依存しないことが明らかになったことから、 結果的に、pFeの変化は koff(O2)に与える影響 を通して、O2親和性を決定することが明らか になった。一方、CO 結合反応の場合は、O₂ の場合とは異なり、結合反応速度定数 (*k*on(CO)) と解離反応速度定数(*k*off(CO)) はいずれも、pFeにはほとんど依存しないこと が示された。

(2) L29F 一置換体に一連の化学修飾へムを 組み込んだ試料で O2 親和性と CO 親和性を 計測した結果、Meso、3,8-DMD を組み込ん だ試料は、COよりもO2に対してより高い親 和性を示すことが明らかとなった(図3)。 ポルフィリン骨格をもつへム錯体で、 O_2 と CO の親和性が逆転する性質を示す Mb 変異 体は、私共が知る限り、当該試料が初めての 例である。なお、Meso、3,8-DMD を組み込 んだ L29F 一置換体で、CO よりも O2 に対し てより高い親和性を示す理由は、Native Mb に比べて、CO 親和性自体は大差無いのに対 して、 $k_{\rm eff}(O_2)$ が大幅に減少したことから、 O_2 親和性が著しく高くなったからである。Meso、 3,8-DMD が組み込まれた試料では図2の共 鳴が B 構造の方に偏っていると共に、L29F 一置換体では Fe²⁺に結合した O₂ と Phe29 の フェニル環の多極子の相互作用により、O₂ の Fe²⁺への結合状態が安定化されることが、

L29F 一置換体に Meso、3,8-DMD を組み込んだ試料で O₂ 親和性が著しく増大する要因であると考えられる。

(3) Native Mb、H64L および L29F 一置換 体に化学修飾ヘムを組み込んだ試料の CO が 結合した状態における CO 伸縮振動vcoに対 する CO と O₂の識別能(M = CO 親和性/O₂ 親和性)の片対数プロット(図3)から、へ ムの化学修飾とアミノ酸置換を組合すこと により、M値を約10万倍の範囲で調節する ことができることが明らかになった。また、 個々の試料のプロットがそれぞれ良好な直 線性を示していることから、pFeの変化が図2 の共鳴の偏りに与える影響は Fe²⁺に結合す る O₂ と近傍アミノ酸側鎖の相互作用の有無 およびその強度の程度とは無関係であるこ と、つまり、pFeを通した Mb 機能の電子的調 節機構は、近傍のアミノ酸残基との相互作用 によるヘムの構造化学的環境を通した機能 調節機構とは互いに独立して作用している ことが実証された。また、個々の試料のプロ ットの傾きがほぼ等しいことから、Mb の機 能調節で、pFeを通した電子的調節機構は、へ ムの構造化学的環境による調節機構には依 存しないことも明らかになった。Mb の機能 を調節するこれら2つの機構の言うならば直 交性は、Mb を模倣した人工酸素運搬体の創 製における分子設計には有用である。なぜな ら、これら2つの調節機構をそれぞれ別々に 最適化すれば、Mb の機能を人工酸素運搬体 として最適化できることが明らかになった からである。

さらに、H64L 一置換体では、Fe²⁺に結合 した O_2 と水素結合して O_2 の配位状態を安定 化する His64 が、水素結合できない Leu64 に置換されているにもかかわらず、図 3 で、 H64L 一置換体のプロットが Native Mb およ び L29F 一置換体のプロットとほぼ同じ傾き であることから、CO と O_2 の識別には、 Fe²⁺⁻ O_2 と His64 の水素結合の形成は必須で はないことが明らかになった。

(4) Mb の機能調節における Fe^{2+-O₂} と His64の水素結合の性質の影響を明らかにす るために、Fe^{2+-O₂}と His64 の水素結合が存 在する Native Mb (His64)、Fe²+–O₂と His64 の水素結合が存在しないH64L一置換体に加 えて、 Fe^{2+-O_2} と His64 の水素結合に比べて、 強度が弱いことが予想される Fe²⁺−O₂ と Gln64の水素結合が存在するH64Q一置換体 で、化学修飾ヘムを組み込んだ試料を調製し、 それぞれの機能を計測した(図4)。 $k_{off}(O_2)$ を比較すると、 O_2 と 64 番アミノ酸残基で水 素結合が形成しないH64L一置換体を基準と した時、H64Q 一置換体では koff(O₂)が約 1/40、 Native Mb では約 1/2000 に、それぞれ低下 した。*k*_{off}(O₂)の低下の程度は、O₂ 結合状態 の安定化の程度を反映していると考えるこ とができるので、H64Q 一置換体における

 $Fe^{2+}-O_2$ と Gln64 の水素結合は、予想通り、 Native Mb における $Fe^{2+}-O_2$ と His64 の水 素結合よりも弱いことが確認された。

さらに、29番と64番のアミノ酸残基の違 いに着目して、L29F/H64L 二置換体の解析 から得られた結果も併せて考えると、64番ア ミノ酸残基がLeuの場合におけるL29Fのア ミノ酸置換が koff(O2)に与える影響では、 koff(O2)はほとんど変化しないことが示され たのに対して、64番アミノ酸残基が His の 場合における L29F のアミノ酸置換が koff(O2)に与える影響では、koff(O2)は約 1/10 に低下することが示された。これらの結果か ら、64番アミノ酸残基と Fe²⁺⁻O₂の水素結合 の強度が強くなると、Phe29 と Fe^{2+-O2}の相 互作用も相乗的に強くなることが示された。 その要因としては、64 番アミノ酸残基と **Fe²⁺-O₂の水素結合が強くなると、O₂の分極** が促進される結果、末端酸素原子のδ-性が強 くなるので、δ+に分極した Phe29 のフェニ ル環のエッジとの電子的な相互作用が相乗 的に強くなることが考えられる。このように、 Phe29 をもつ Mb における O₂の Fe²⁺への配 位状態の安定化は、O₂、Phe29 および 64 番 アミノ酸残基の間の電子的相互作用に依存 することが明らかとなった。この知見も、Mb の機能を調節するための分子設計指針とし て重要である。

Native Mb および種々の人工変異体に一 連の化学修飾へムを組み込んだ試料に O_2 が 結合した状態の吸収スペクトルの経時変化



図 4. Native Mb、H64L および H64Q 一置換 体に種々の化学修飾ヘムを組み込んだ試料の O2親和性(K(O2))に対する自動酸化反応速度 定数(kox)の両対数プロット。同一タンパク 質で比較すると、ヘム鉄の電子密度(pFe)の 減少に伴って、K(O2)および kox はいずれも小 さくなる。一方、同一ヘムで比較すると、H64L ー置換体 > H64Q 一置換体 > Native Mbの 順に kox は小さくなり、K(O2)は逆に大きくな る。Mb の機能調節における pFe の変化を通し た電子的機構とヘムの構造化学的環境を通し た機構の直交性は、これら2 つの機構それぞ れを別々に最適化すれば、Mbの機能を人工酸 素運搬体として最適化できるという観点から、 Mb を模倣した人工酸素運搬体の創製におけ る分子設計に有用である。

の解析から、自動酸化反応速度定数(kox)を 計測した。その結果、ヘム側鎖に導入する CF3 基の数を増やすことによって、kox は低下 することが明らかになった。これらの結果は、 上述の通り、CF3 基の導入に伴って ρFe が減 少し、それにより図2の共鳴がB構造の方に 偏ったためであると考えることができる。そ のことは、pFeの指標となる vcoに対する kox の対数のプロットから確認できる。さらに、 vcoに対する log(kox)のプロットは、良好な右 下がりの直線で表され、その傾きは Native Mb と H64L 一置換体でほぼ同じであったこ とから、64番アミノ酸残基と Fe2+-O2の水素 結合の強度は、pFeを通した koxの調節にはほ とんど影響を与えないことも明らかとなっ た。また、本研究で用いたいずれの化学修飾 へムでも、koxはNative Mb < H64Q 一置換 体< L29F/H64L 二置換体 < H64L 一置換体 の順に増大した(図4)。さらに、64番アミ ノ酸残基の違いに注目すると Native Mb < H64Q 一置換体 < H64L 一置換体の順に kox が増大した(図4)。これらの結果には、Fe²⁺ に結合した O2 とヘム近傍のアミノ酸残基と の相互作用による O2 結合状態の安定化の程 度が反映されていると考えることができる。 すなわち、Fe^{2+-O2}と64番アミノ酸残基との 水素結合が強い程、O2結合状態がより一層強 く安定化される結果、koxは低下すると解釈で きる。

また、29番アミノ酸残基の違いに注目した 比較から、kox は L29F/H64L 二置換体 < H64L 一置換体となり、L29F/H64L 二置換体 の koff(O2)の結果から判断して、64 番アミノ 酸残基が Leu の時、Phe29 による O₂ 結合状 態の安定化はほとんど起こらないことが示 された。アミノ酸残基の側鎖の大きさは、His: 0.101 nm³, Gln: 0.095 nm³, Leu: 0.102 nm³, Phe: 0.137 nm³であるので、64 番アミノ酸 残基が Leu の場合、L29F アミノ酸置換によ り kox が低下したのは、29番アミノ酸残基を Leu から側鎖サイズの大きい Phe29 へ置換 することでヘムポケットの His64 側の空間 が狭くなった結果、ヘムのポケットへの水分 子の進入が抑えられるからであると考える ことができる。

(5)7位メチル基を CF3基で置換した化学修飾 ヘム 7-PF (図 1)を用いて、Mb におけるヘム の配向の決定機構を解析した。7-PF を用いた 理由は、二種類のヘムの配向の高感度検出が ¹⁹F NMR により行えると共に、X線結晶構造 解析でも検出できることを期待したためで ある。Native Mb および H64Q 一置換体に 7-PF を組み込んだ試料の X線結晶構造解析から、 プロトヘムと同様に、7-PF も Mb のヘムポケ ットに組み込まれていると共に、7-PF に Form A、Form B の二種類の配向が存在するこ とが明らかになった(図 5)。さらに、Native Mb(PDB ID: 1A6K)と 7-PF を組み込んだ Native Mb の結晶構造の比較から、ヘム近傍



図 5.7-PF を組み込んだ Mb の X 線結晶構造。 タンパク質部分に対して、7-PF が擬二回転対 象軸の周りに 180°回転した二種類 (Form A と Form B) の配向で組み込まれていることが 実証された。

のアミノ酸残基の立体構造はほとんど同一であり、ヘムの化学修飾および Form A、Form B の二種類の配向は、Mb のタンパク質部分の立体構造にはほとんど影響を与えないことも明らかになった。

5. 主な発表論文等

〔雑誌論文〕(計10件)

 T. Shibata, Y. Nakayama, Y. Katahira, H. Tai, Y. Moritaka, Y. Nakano, and <u>Y. Yamamoto</u> Characterization of the Interaction between Heme and a Parallel G-quadruplex DNA Formed from d(TTGAGG), *Biochim. Biophys. Acta*, ページ数等未定 (2016). 査読有

DOI: 10.1016/j.bbagen.2016.11.005

- (2)T. Shibata, Y. Kanai, R. Nishimura, L. Xu, Y. Moritaka, A. Suzuki, S. Neya, M. Nakamura, and Y. Yamamoto Characterization of Ground State Electron Configurations of High Spin Quintet Ferrous Heme Iron in Deoxy Myoglobin Reconstituted Trifluoromethyl with Group-Substituted Heme Cofactors, Inorg. Chem., 55, 12128-12136 (2016). 査読有 DOI:10.1021/acs.inorgchem.6b01360
- ③ Y. Kanai, R. Nishimura, K. Nishiyama, T. Shibata, S. Yanagisawa, T. Ogura, T. Matsuo, S. Hirota, S. Neya, A. Suzuki, and Y. <u>Yamamoto</u> Effects of Heme Electronic Structure and Distal Polar Interaction on Functional and Vibrational Properties of Myoglobin, *Inorg. Chem.*, 55, 1613-1622 (2016). 查読有DOI: 10.1021/acs.inorgchem.5b02520
- ④ Y. Yamamoto, M. Kinoshita, Y. Katahira, H. Shimizu, Y. Di, T. Shibata, H. Tai, A. Suzuki, and S. Neya

Characterization of Heme–DNA Complexes Composed of Some Chemically Modified Hemes and Parallel G-Quadruplex DNAs, *Biochemistry*, 54, 7168-7177 (2015). 査読 有

DOI: 10.1021/acs.biochem.5b00989

- ⑤ M. Kinoshita, S. Takaya, T. Shibata, H. Hemmi, and <u>Y. Yamamoto</u> NMR Detection and Characterization of I-quartets in Parallel DNA Quadruplexes, *Chem. Lett.*, 44, 1107-1109 (2015). 査読有 DOI: 10.1246/cl.150383
- ⑥ H. Shimizu, H. Tai, K. Saito, T. Shibata, M. Kinoshita, and <u>Y. Yamamoto</u> Characterization of the Interaction between Heme and a Parallel G-quadruplex DNA Formed from d(TTAGGGT), *Bull. Chem. Soc. Jpn.*, 88, 644-652 (2015). 査読有 DOI: 10.1246/bcsj.20140374
- ⑦ T. Shibata, E. Furuichi, K. Imai, A. Suzuki, and <u>Y. Yamamoto</u> Effects of Heme Modification on Oxygen Affinity and Cooperativity of Human Adult Hemoglobin, *J. Porphyrins Phthalocyanines*, 19, 301-307 (2015). 査読有 DOI: 10.1142/S1088424615500200
- ⑧ R. Nishimura, D. Matsumoto, T. Shibata, S. Yanagisawa, T. Ogura, H. Tai, T. Matsuo, S. Hirota, S. Neya, A.Suzuki, and <u>Y. Yamamoto</u> Electronic Control of Ligand-Binding Preference of a Myoglobin Mutant., *Inorg. Chem.*, 53, 9156-9165 (2014). 査読有 DOI: 10.1021/ic5011924
- (9) R. Nishimura, T. Shibata, H. Tai, I. Ishigami, S. Yanagisawa, T. Ogura, S. Neya, A. Suzuki, and <u>Y. Yamamoto</u> Effect of the Electron Density of the Heme Fe Atom on the Fe-Histidine Coordination Bond in Deoxy Myoglobin., *Bull. Chem. Soc. Jpn.*, 87, 905 - 911 (2014). 査読有 DOI:10.1246/bcsj.20130331.
- ① Y. Suzuki, H. Tai, K. Saito, T. Shibata, M. Kinoshita, A. Suzuki, and <u>Y. Yamamoto</u> Structural Characterization of Imidazole Adducts of Heme-DNA Complexes, *J. Porphyrins Phthalocyanines*, 18, 741-751 (2014). 査読有 DOI: 10.1142/S1088424614500515

〔学会発表〕(計33件)

- Y. Yamamoto, K. Ochi, T. Shibata, H. Hemmi, and M. Hagihara Structural Characterization of G-Quadruplex DNAs Formed from Human Telomere-Related Sequences and Their Complexes with Heme, 58th Experimental Nuclear Magnetic Resonance Conference(ENC), 2017 年 3 月 26-31 日, Pacific Grove (USA).
- ② 並木孝介,柴田友和,鈴木秋弘,根矢三

郎, 山本泰彦

デオキシミオグロビンとデオキシ西洋わ さびペルオキシダーゼにおけるへムの電 子状態の比較、日本化学会 第97春季年 会、2017年3月16-19日、慶応義塾大学 日吉キャンパス(神奈川県・横浜市).

- ③ Y. Yamamoto, T. Shibata, Y. Katahira, Y. Nakayama, H. Tai, T. Matsui, K. Morihashi, A. Watanabe, T. Nakao, S. Yanagisawa, T. Ogura, A. Suzuki, S. Neya Characterization of Complexes between Hemes and Parallel G-Quadruplex DNAs, Asian Bioligical Inorganic Chemistry Conference (AsBIC 8), 2016 年 12 月 4-9 日, Auckland (New Zealand).
- ④ 渡邉美帆,金井佑生,西村龍,柴田友和, 松尾貴史,廣田俊,鈴木明弘,根矢三郎, 山本泰彦 ミオグロビンの機能調節におけるヘムの 電子構造の変化と遠位アミノ酸変異によ る影響、第43回生体分子科学討論会、 2016年6月24,25日、名古屋大学野依記 念学術交流館(愛知県・名古屋市).
 ⑤ 並木孝介,柴田友和,根矢三郎,鈴木明
 - 3. 山本泰彦
 ヘムの化学修飾がメトアジドミオグロビンのスピン平衡に与える影響、第26回金属の関与する生体関連反応シンポジウム、
 2016年6月17,18日、北海道大学学術交流会館(北海道・札幌市).

〔図書〕(計1件)

1 Y. Yamamoto and T. Shibata, Novel functions of π -electron systems in a heme-DNA complex, Chemical Science of π -Electron Systems, T. Akasaka, A. Osuka, S. Fukuzumi, H. Kandori, and Y. Aso, eds. Springer, Chap. 43, 731-750 (2016).

〔産業財産権〕
 ○出願状況(計0件)
 ○取得状況(計0件)

〔その他〕 ホームページ等 http://www.chem.tsukuba.ac.jp/yamamoto/

6.研究組織
(1)研究代表者
山本 泰彦 (YAMAMOTO, Yasuhiko)
筑波大学・数理物質系・教授
研究者番号:00191453
(2)研究分担者
なし
(3)連携研究者
なし
(4)研究協力者
柴田 友和 (SHIBATA, Tomokazu)